

トランスクリプトーム解析キャンペーン

発現解析から転写産物構造まで、研究を一步先へ進める3つのキャンペーン

キャンペーン期間：2026年10月30日(金)サンプル到着分まで年内納品

No.1：ショートリードRNA-seq(rRNA除去)

網羅的に遺伝子発現を捉える解析パッケージが登場

- 微生物～植物・哺乳類まで、**生物種に特化**したRNA-seqを実施
- rRNAを抑え、解析対象RNAのリードを**効率的に取得**
- mRNAだけでは捉え切れない**包括的なトランスクリプトーム解析**が可能



微生物

1. 原核生物

¥38,000

1.5Gb: **¥34,000**/検体(税抜)

2. 酵母(*S. cerevisiae*等)

¥50,000

6.0Gb: **¥38,000**/検体(税抜)

3. メタトランスクリプトーム

¥46,000

6.0Gb: **¥41,000**/検体(税抜)



植物

新登場記念！特別価格

¥50,000/検体

6.0Gb: **¥38,000**/検体(税抜)

◆ 特徴

- ✓ 細胞質,ミトコンドリア,葉緑体由来のrRNAを除去
- ✓ coding / non-coding RNAを含む多様な転写産物を解析

◆ 解析対象例

シロイヌナズナ／イネ／トウモロコシ
大豆／ムギなど各種



哺乳類

新登場記念！特別価格

¥50,000/検体

6.0Gb: **¥38,000**/検体(税抜)

◆ 特徴

- ✓ 細胞質,ミトコンドリアのrRNAを除去
- ✓ FFPEなどpoly(A)法で難しい検体も対応

◆ 解析対象例

ヒト／FFPE／マウス／ラット
その他の哺乳類RNAに対応

サンプル種	サンプル要件 ^{※1}
Total RNAサンプル	濃度 ≥50ng/μL, ≥20μL(推奨RIN値 ≥7)
微生物株サンプル ^{※2}	細胞数：≥1.0 × 10 ⁹ cells(推奨)

※1 サンプル量・品質が推奨より未達の場合もご相談可能です。

※2 RNA抽出は追加optionになります。その他、生物種の抽出の対応可否についてはご相談ください。

作業内容（標準納期：6週間^{※1}）

1. RNA QC、rRNA除去
2. ライブラリ作製
3. シーケンス
4. データ解析^{※2}
 - ・リードマッピング
 - ・リードカウント

納品物

1. シーケンスデータ(fastq)
2. リードマッピング・カウント結果
3. 各種解析結果・レポート

※1 QCで問題ない場合の納期になります。

※2 基本解析の場合です。更に追加解析メニューもございますので裏面をご覧ください。

No.2：ロングリードRNA-seq(Iso-seq)解析

全長トランスクリプトーム解析で転写産物の全貌を解明

- PacBioによるHiFiロングリードシーケンスで転写産物を全長で解析
- 転写産物構造を解析し、新規アイソフォームやスプライシングの発見へ
- 非モデル生物や複雑なゲノムの遺伝子構造も高精度に解析



ヒト・マウス

- ✓ 疾患関連アイソフォームや、異常スプライシングを解析したい



植物

- ✓ ショートリードでは読み切れない転写産物を解析したい



非モデル生物

- ✓ 新規転写産物の探索やゲノムのアノテーションを高精度に見たい

サービス新登場記念！特別チャレンジ価格

2検体ご依頼の場合

500万reads **¥300,000** /検体(税抜)

さらに4検体ご依頼の場合

¥250,000 /検体(税抜)

作業内容（標準納期：8～10週間）

1. RNA QC
2. ライブラリ作製
3. シーケンス
4. データ解析
 - ・リードマッピング
 - ・転写産物のクラスタリング、アノテーション

納品物

1. シーケンスデータ(fastq)
2. リードマッピング結果
3. 各種解析結果・レポート

No.3：バイオインフォマティクス

限られた時間で、新たな発見を導く充実の発現解析パッケージ

- 群間比較から変動遺伝子までRNA-seqの基本となる各種解析をパッケージ化
- 不安な方も、解析担当者による結果説明・アフターフォローも対応

データ解析(advance)

標準解析の内容に加え、以下を実施

- ✓ 相関分析 / 主成分分析
- ✓ 変動遺伝子(DEG)解析
- ✓ 階層的クラスタリング
- ✓ GO解析
- ✓ ヒートマップ描画

50%以上OFF!!

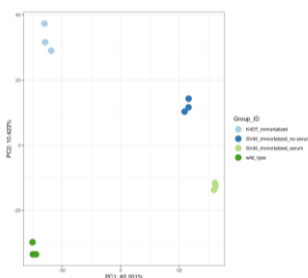
◆ シーケンス5検体までのご依頼で

¥10,000 /検体(税抜)

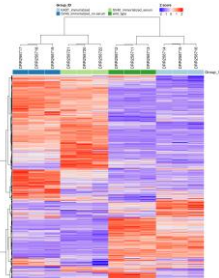
◆ さらに！6検体以上で

無料

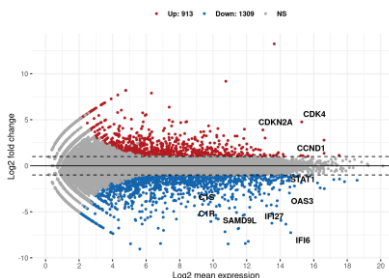
解析Figure例（一部）



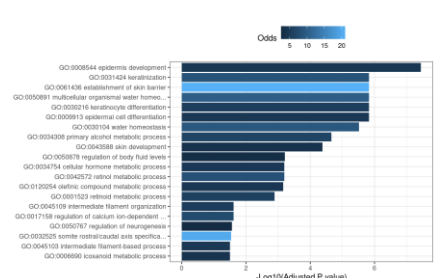
主成分分析



クラスタリング



DEG解析(MA plot)



GO解析(エンリッチメント解析)



E-mail: service@bitbiome.co.jp
〒162-0041 東京都新宿区早稲田鶴巻町513
早稲田大学121号館 415号室

お問い合わせ先



販売代理店