

非モデル生物のRNA-Seq解析

ゲノム情報が未知の非モデル生物において、目的の機能に係る遺伝子群を特定し、付加価値の大きなものづくりに貢献します。

サービス特長

業界トップランナーによる
技術監修の下で丁寧に対応

取締役CTO 山本卓

ゲノム編集

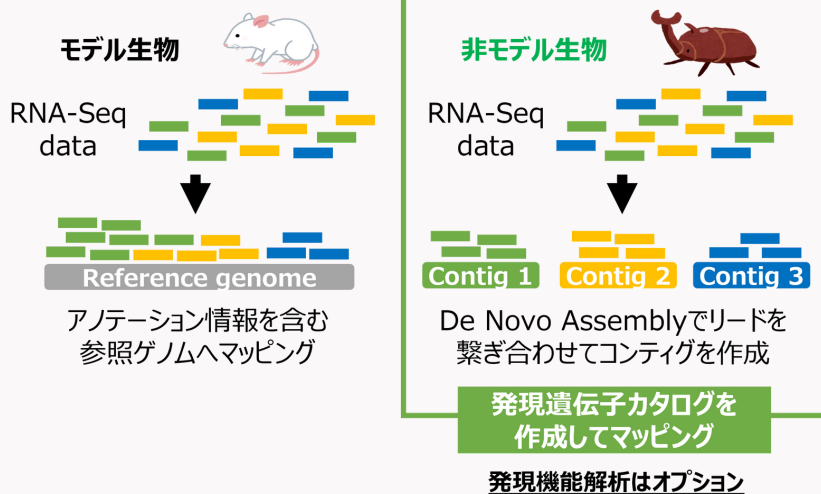
標的遺伝子の特定後の
ゲノム編集にも対応



科学技術顧問 坊農秀雅

バイオDX

実験系の設計力や
豊富な解析ノウハウ



まずは、お見積もりをご依頼ください。

RNAサンプル抽出や解析内容等についても
お気軽にお問い合わせください。



プラチナバイオ株式会社
サービス担当

E-mail : service@pt-bio.com
弊社HPの問い合わせフォームからも
受け付けております

プラチナバイオ株式会社



サービス概要

仕様	<ul style="list-style-type: none">■ シーケンス<ul style="list-style-type: none">—Illumina NovaSeq6000 (Illumina) を使用—Poly-A選択法 and Strand-specificでライブラリを調製—150bp×2 paired-end、8000万リードで深読み■ 発現遺伝子カタログ作成<ul style="list-style-type: none">—坊農秀雅の解析ツールSAQEをベースにしたTrinityにより De Novo Transcriptome Assemblyを実施
納期	■ 1~2ヶ月（サンプルの品質や数に応じて変動）
価格	■ 15万円/検体～（サンプルの品質や数に応じて変動）

オプション ※料金はお問い合わせください

発現機能解析	■ 坊農秀雅が独自に構築した解析ワークフロー（論文発表済）を適用して精緻に解析致します。
コンサルティング	■ データの取得・解析の方法から、研究開発や事業化の戦略までご相談ください。

コンサルティング面談が2回分無料

