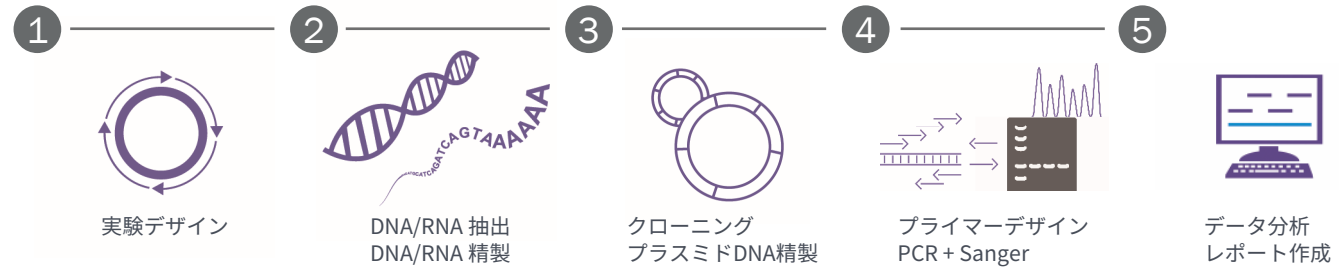


# 分子遺伝学サービス

## PCR + Sanger Services



### PCR + Sanger Services ワークフロー



### PCR + Sanger Servicesとは

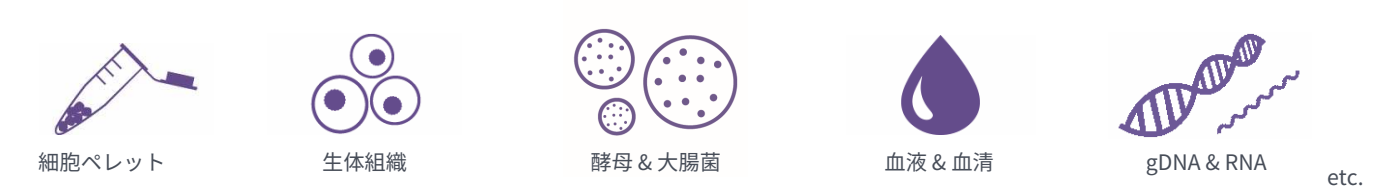
遺伝子解析の実験デザインからデータ分析までの一連の作業を実施する受託試験サービスを提供いたします。専任のオペレーターと相談しながら、お客様毎に必要なプロセスを選択し、サービス内容をカスタマイズできます。

価格ならびに詳細は弊社 (sales.japan@azenta.com) までお問い合わせください。

### Azenta の優位性

- 北米トップシェアを誇る豊富な遺伝子解析の経験
- 多様なサンプルの受入が可能
- 厳格な管理体制による再現性のあるデータ品質
- 専任のチームによる手厚いサポート体制 (アフターケアまでお任せください)
- サンプルの到着から最短で3営業日という迅速な結果のご納品

### 受入可能な提出物 (その他のサンプルもお問い合わせください)



初回利用11,000円OFFキャンペーン実施中 (Promotion Code: MGFs10JP)

注意事項：1研究室2アカウントまでのご利用とさせていただきます、残金の持越はできません



**アゼンタ株式会社** (旧社名 日本ジーンウィズ株式会社)  
 〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号 NFパークビルディング4階  
 電話：03-6628-2950 (平日 9:00~18:00) FAX：03-6628-2951  
 メール：sales.japan@azenta.com

[www.azenta.com/ja-JP](http://www.azenta.com/ja-JP)

取扱店・代理店 記入欄

# PCR + Sanger Services

## サービスラインアップ



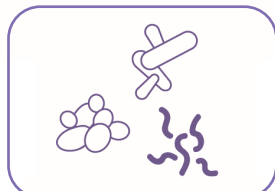
### • 核酸 (gDNA / RNA) 抽出

- 細胞ペレット、凍結組織、全血、唾液、植物、細菌、カビ、酵母 etc.
- 解析サービスでご提出いただく様々なサンプルから、お客様の解析に合わせたグレードの核酸抽出物を納品いたします。



### • Standard PCR、Quantitative PCR (qPCR)

- ご提供いただく様々なサンプルのPCR増幅により遺伝子型解析や遺伝子発現量解析等の定量解析を承ります。



### • 細菌及び真菌種の同定 (16S rRNA Gene Sequencing)

- クローン化された細菌及び真菌種の16S/ITS rRNA配列を、それぞれ1.5k/0.6kbをPCR増幅し、全長配列をサンガーシーケンスにより解析いたします。



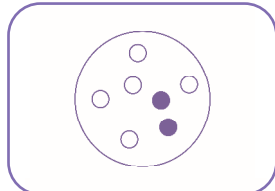
### • カスタムSNP解析

- ご希望のSNPをシーケンスにより解析。プライマーの設計/合成、PCR増幅、PCR産物の精製、ダイレクトシーケンス及び解析レポートの作成を含むフルサポートサービスになります。



### • フラグメント解析

- キャピラリーベースのフラグメント解析により、DNAフラグメントを正確かつ高速にハイスループット解析いたします。
- マイクロサテライト解析やAFLP解析といった多様なニーズにお応えします。



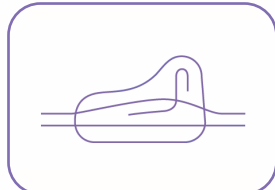
### • 細胞株検証

- ショートタンデムリピート (STR) を利用した細胞株検証を行い、ご提出の細胞株がリファレンスのSTRデータベースに一致しているかを確認します。



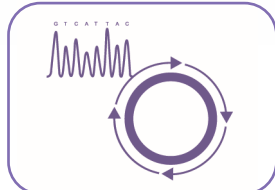
### • ハイブリドーマシーケンス解析

- ハイブリドーマ細胞からモノクローナル抗体の重鎖/軽鎖を含む可変領域及び定常領域をクローニングし、シーケンス解析をします。
- クローニングした抗体配列をプラスミドの状態での納品可能。



### • CRISPRゲノム配列検証

- gDNAあるいは対象領域のアンプリコンをご提出いただき、ゲノム編集後の配列を確認いたします。
- 両アレルのそれぞれの配列確認やオフターゲット配列の確認も可能です。



### • プライマーウォーキング

- 「実験を開始する前に配列情報を確認したい」、「使用中のプラスミドで想定外の結果が確認された」等のご希望に合わせ、複数のプライマーを設計し、プラスミドや配列不明アンプリコンの全長配列を確認します。