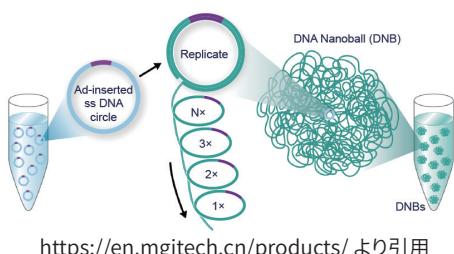


# MGI DNBSEQ-G400による 次世代シーケンシング国内受託解析サービス

- 高品質・低価格で  
より多くの有効なデータをご提供
- 核酸抽出、ライプラリ調製から  
シーケンシング・解析まで国内実施



## MGI DNBSEQ の特長

- ・一本鎖環状 DNA ライプラリからローリングサークル増幅により DNA ナノボールを生成。常に元の分子がテンプレートとして使用されることにより、エラーの蓄積を低減。
- ・増幅反応済みの DNA ナノボールを超高密度整列化フローセルのスポットに配置。シーケンシングリードの重複率を低減。
- ・標準出力、納品データは FASTQ 形式。これまでご使用のパイプラインでそのまま解析可能。

### 遺伝子発現解析 (RNA-Seq)

- ・**26,400 円 ~/ サンプル (20 サンプルでのご依頼の場合)、解析込みなら 46,200 円 / サンプル**

仕様：poly-A 選択；ストランド特異的ライプラリ調製、約 >2,000 万ペアエンドリード / サンプル、FASTQ 納品

ライプラリ調製	シーケンシング	標準解析 ( 解析内容は裏面参照 )
19,800 円 /20~ サンプル	132,000 円 / レーン	19,800 円 /20~ サンプル
22,000 円 /10~19 サンプル	レーン専有	22,000 円 /10~19 サンプル
24,750 円 /6~9 サンプル	約 4.0 億ペアエンドリード ( 約 120 Gb )	24,750 円 /6~9 サンプル
27,500 円 /1~5 サンプル		27,500 円 /1~5 サンプル

### 全ゲノムシーケンシング (WGS)

- ・**ヒトゲノム解析 159,500 円 / サンプル : PCR-free ライプラリ調製、40x カバレッジ、FASTQ 納品**
- ・**ゲノム解析 26,400 円 / サンプル (ゲノムサイズ 150 Mb の生物種で 20 サンプルでご依頼の場合) : 仕様は同上**

ライプラリ調製	シーケンシング	標準解析 ( 解析内容は裏面参照 )
19,800 円 /20~ サンプル	132,000 円 / レーン	19,800 円 /20~ サンプル
22,000 円 /10~19 サンプル	レーン専有	22,000 円 /10~19 サンプル
24,750 円 /6~9 サンプル	約 4.0 億ペアエンドリード ( 約 120 Gb )	24,750 円 /6~9 サンプル
27,500 円 /1~5 サンプル		27,500 円 /1~5 サンプル

### 10x Genomics ライプラリシーケンシング (シングルセル RNA-Seq/V(D)J、Visium)

- ・**132,000 円 / レーン。出力約 3.5~4.5 億ペアエンドリード ( 目安 )**
- ・**1 フローセル (4 レーン) でのご利用ならさらにお安く (462,000 円 / フローセル、HDD 納品込み)**
- ・Cell Ranger/Space Ranger による解析も対応 ( 別途追加料金 )
- ・細胞の凍結送付、持ち込み、出張実施によるライプラリ調製からのフルパッケージ、あるいは cDNA をご提出、ライプラリ調製の後半部分からもお受けしております。

- ・表示料金は税込。送料無料。ご依頼のサンプル数により、sFTP ダウンロード 5,500 円あるいはハードディスク 13,200 円が別途かかります。
- ・RNA-Seq、WGS、いずれも 20 サンプル以上のご依頼で、sFTP ダウンロード / ハードディスク料金は無料。
- ・納期は解析なし (FASTQ 納品) の場合、25~30 営業日、標準解析込みの場合、30~35 営業日 ( 土日祝日を除く営業日数 )。
- ・サンプルあたりのデータ量はサンプル数により変動します。調製済みライプラリをご提出の場合、データ量はライプラリの品質等にも影響されるため、目安となります。

## ■ サンプル提出ガイドライン

### 全ゲノムシークエンシング (WGS)

精製済みゲノム DNA

必要量：>500ng (PCR-free 法でのライブラリ調製をご希望の場合は、必要 DNA 量 >2 µg。オンラインシステムからのお見積り  
依頼時にその旨ご入力ください)

純度：A260/A280: 1.8-2.0、A260/A230: >1.8

### RNA-Seq 遺伝子発現解析

精製済み RNA

推奨量：トータル RNA >1 µg、最低量 >500 ng

品質・純度：RIN: >7.0、A260/A280: 1.8-2.2、A260/A230: >1.8

### 10x Genomics シングルセル RNA-Seq/V(D)J、Visium 調製済みライブラリ

10x Genomics 3' 遺伝子発現、5' 遺伝子発現 + TCR/BCR、Visium の調製済みライブラリ

必要量：>10 nM x 15 µl (例：ライブラリ断片の平均長 550 bp の場合、>5 ng/µl x 15 µl)

\* ご使用になられたキット・インデックスのバージョン、ブーリングの状態によってはご対応できないこともあります。

## ■ 標準解析内容

### 全ゲノムシークエンシング (WGS)

リファレンス配列へのマッピング、SNV/InDel、CNV、SV 多型解析、サンプル間での多型比較など

### RNA-Seq 遺伝子発現解析

リファレンス配列へのマッピング、遺伝子発現量一覧、任意のサンプル・グループ間での発現変動解析、オントロジー解析など

### 10x Genomics シングルセル RNA-Seq/V(D)J、Visium 調製済みライブラリ

Cell Ranger/Spacer Ranger 標準出力 (ランサマリー、Loupe Browser 読み込み用のファイルなど)

## ■ 便利なオンラインオーダーシステムにご登録ください!

1つのアカウントですべてのサービスがご利用いただけます。

(DNBSEQ をご希望の場合には、該当するアプリケーションをメニューから選択後、プラットフォームの項目から  
“DNBSEQ”をご選択ください)



URL: <https://www.genewiz.com/ja-JP/>

次世代シークエンシング  
人工遺伝子合成  
サンガーシーケンス解析

⋮  
⋮

迅速な見積提示

Ph.D. レベルの  
カスタマーサポート

注文履歴の閲覧

進捗情報の確認

⋮  
⋮  
⋮

web トップページの “ユーザー登録” から

お客様のアカウントから、NGS 初回ご利用の場合、10% OFF !

\* キャンペーンなどでディスカウント済みのアプリケーションは適用外

\* 一部のアプリケーションを除く。

## 日本ジーンウィズ株式会社

〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号  
NFパークビルディング 4階

TEL. 03-6628-2950 FAX. 03-6628-2951

E-mail. NGS.Japan@genewiz.com

[www.genewiz.com/ja-JP](http://www.genewiz.com/ja-JP)

取扱店・代理店記入欄

NGS022FL-R0-2105TC

©2021 GENEWIZ Inc.

本サービスは研究用のみに使用できます。診断目的に使用することはできません。

当印刷物に記載されている会社名および商品名などは、各社の商標または登録商標です。表示価格は税込価格です。本印刷物記載の内容は 2021 年 5 月現在のものです。