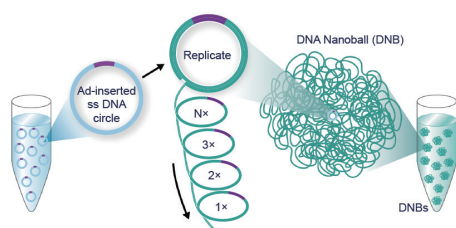


# MGI DNBSEQ-G400 による 次世代シーケンシング国内受託解析サービス

- 高品質・低価格で  
より多くの有効なデータをご提供
- 核酸抽出、ライブラリ調製から  
シーケンシング・解析まで国内実施



<https://en.mgitech.cn/products/> より引用

## MGI DNBSEQ の特長

- ・一本鎖環状 DNA ライブラリからローリングサークル増幅により DNA ナノボールを生成。常に元の分子がテンプレートとして使用されることにより、エラーの蓄積を低減。
- ・増幅反応済みの DNA ナノボールを超高密度整列化フローセルのスポットに配置。シーケンシングリードの重複率を低減。
- ・標準出力、納品データは FASTQ 形式。これまでご使用のパイプラインでそのまま解析可能。

### 遺伝子発現解析 (RNA-Seq)

- ・ 26,400 円 ~ / サンプル (20 サンプルでのご依頼の場合)、解析込みなら 46,200 円 / サンプル

仕様：poly-A 選択；ストランド特異的ライブラリ調製、約 >2,000 万ペアエンドリード / サンプル、FASTQ 納品

ライブラリ調製	シーケンシング	標準解析 ( 解析内容は裏面参照 )
19,800 円 / 20~ サンプル	132,000 円 / レーン	19,800 円 / 20~ サンプル
22,000 円 / 10~19 サンプル	レーン専有	22,000 円 / 10~19 サンプル
24,750 円 / 6~9 サンプル	約 4.0 億ペアエンドリード (約 120 Gb)	24,750 円 / 6~9 サンプル
27,500 円 / 1~5 サンプル		27,500 円 / 1~5 サンプル

### 全ゲノムシーケンシング (WGS)

- ・ ヒトゲノム解析 159,500 円 / サンプル：PCR-free ライブラリ調製、40x カバレッジ、FASTQ 納品
- ・ ゲノム解析 26,400 円 / サンプル (ゲノムサイズ 150 Mb の生物種で 20 サンプルでのご依頼の場合)：仕様は同上

ライブラリ調製	シーケンシング	標準解析 ( 解析内容は裏面参照 )
19,800 円 / 20~ サンプル	132,000 円 / レーン	19,800 円 / 20~ サンプル
22,000 円 / 10~19 サンプル	レーン専有	22,000 円 / 10~19 サンプル
24,750 円 / 6~9 サンプル	約 4.0 億ペアエンドリード (約 120 Gb)	24,750 円 / 6~9 サンプル
27,500 円 / 1~5 サンプル		27,500 円 / 1~5 サンプル

### 10x Genomics ライブラリシーケンシング (シングルセル RNA-Seq/V(D)J、Visium)

- ・ 132,000 円 / レーン。出力約 3.5~4.5 億ペアエンドリード (目安)
- ・ 1 フローセル (4 レーン) でのご利用ならさらにお安く (462,000 円 / フローセル、HDD 納品込み)

- ・ Cell Ranger/Space Ranger による解析も対応 (別途追加料金)
- ・ 細胞の凍結送付、持ち込み、出張実施によるライブラリ調製からのフルパッケージ、あるいは cDNA をご提出、ライブラリ調製の後半部分からお受けしております。

・ 表示料金は税込。送料無料。ご依頼のサンプル数により、sFTP ダウンロード 5,500 円あるいはハードディスク 13,200 円が別途かかります。  
 ・ RNA-Seq、WGS、いずれも 20 サンプル以上のご依頼で、sFTP ダウンロード / ハードディスク料金は無料。  
 ・ 納期は解析なし (FASTQ 納品) の場合、25~30 営業日、標準解析込みの場合、30~35 営業日 (土日祝日を除く営業日数)。  
 ・ サンプルあたりのデータ量はサンプル数により変動します。調製済みライブラリをご提出の場合、データ量はライブラリの品質等にも影響されるため、目安となります。

## ■ サンプル提出ガイドライン

### 全ゲノムシーケンシング (WGS)

精製済みゲノム DNA

必要量：>500ng (PCR-free 法でのライブラリ調製をご希望の場合は、必要 DNA 量 >2 µg。オンラインシステムからのお見積り依頼時にその旨ご入力ください)

純度：A260/A280: 1.8-2.0、A260/A230: >1.8

### RNA-Seq 遺伝子発現解析

精製済み RNA

推奨量：トータル RNA >1 µg、最低量 >500 ng

品質・純度：RIN: >7.0、A260/A280: 1.8-2.2、A260/A230: >1.8

### 10x Genomics シングルセル RNA-Seq/V(D)J、Visium 調製済みライブラリ

10x Genomics 3' 遺伝子発現、5' 遺伝子発現 + TCR/BCR、Visium の調製済みライブラリ

必要量：>10 nM x 15 µl (例：ライブラリ断片の平均長 550 bp の場合、>5 ng/µl x 15 µl)

\* ご使用になられたキット・インデックスのバージョン、プーリングの状態によってはご対応できないこともございます。

## ■ 標準解析内容

### 全ゲノムシーケンシング (WGS)

リファレンス配列へのマッピング、SNV/InDel、CNV、SV 多型解析、サンプル間での多型比較など

### RNA-Seq 遺伝子発現解析

リファレンス配列へのマッピング、遺伝子発現量一覧、任意のサンプル・グループ間での発現変動解析、オントロジー解析など

### 10x Genomics シングルセル RNA-Seq/V(D)J、Visium 調製済みライブラリ

Cell Ranger/Spacer Ranger 標準出力 (ランサマリー、Loupe Browser 読み込み用のファイルなど)

## ■ 便利なオンラインオーダーシステムにご登録ください!

1つのアカウントですべてのサービスがご利用いただけます。

(DNBSEQ をご希望の場合には、該当するアプリケーションをメニューから選択後、プラットフォームの項目から“DNBSEQ”をご選択ください)



次世代シーケンシング  
人工遺伝子合成  
サンガーシーケンス解析

⋮

web トップページ “ユーザー登録” から

お客様のアカウントから、NGS 初回ご利用の場合、10% OFF !

\* キャンペーンなどでディスカウント済みのアプリケーションは適用外  
\* 一部のアプリケーションを除く。

迅速な見積提示

Ph.D. レベルの  
カスタマーサポート

注文履歴の閲覧

進捗情報の確認

⋮

## 日本ジーンウィズ株式会社

〒142-0043 東京都品川区二葉二丁目9番15号

NFパークビルディング 4階

TEL. 03-6628-2950 FAX. 03-6628-2951

E-mail. NGS.Japan@genewiz.com

[www.genewiz.com/ja-JP](http://www.genewiz.com/ja-JP)

取扱店・代理店記入欄

NGS022FL-R0-2105TC

©2021 GENEWIZ Inc.

本サービスは研究用のみに使用できます。診断目的に使用することはできません。

当印刷物に記載されている会社名および商品名などは、各社の商標または登録商標です。表示価格は税込価格です。本印刷物記載の内容は 2021 年 5 月現在のものです。